

Paciente: Arthur Ferreira de Oliveira Data de Nascimento: 26/02/2020 № de Identificação: 245/2024

Nome: Arthur Ferreira de Oliveira

Sexo: Masculino

Data de nascimento: 26/02/2020

Solicitante: Welida Salles Portela Cassa (CRM/ES - 10999)

Material: DNA extraído de sangue

Data de coleta: Entrada no laboratório: Liberação do resultado:

11/04/2024 12/04/2024 08/05/2024

ANÁLISE GENÉTICA MOLECULAR PARA SÍNDROME DO X-FRÁGIL

INFORMAÇÕES CLÍNICAS

Paciente com TEA.

RESULTADO

NORMAL

Número de Repetições: 30 repetições CGG

Valores de referência:

Normal	5 - 44 repetições
Intermediária	45 – 54 repetições
Pré-mutações	55 - 200 repetições
Mutações completas	> 200 repetições

RECOMENDAÇÕES

Estes resultados devem ser correlacionados com a clínica e outros exames laboratoriais.

NOTAS

- 1. Este teste é capaz de detectar até 1000 repetições CGG no gene FMR1. Expansões maiores que 200 repetições não serão mensuradas e o resultado será reportado como maior que 200 repetições CGG. Este teste não é capaz de detectar o grau de metilação no gene FMR1. Mutações em outros genes e em outros códons ou em partes não estruturais do gene FMR1 não são detectadas por este teste.
- 2. A Síndrome do X Frágil está associada a uma expansão completa do gene *FMR1* localizado no cromossomo X. Corresponde à segunda causa mais comum de atraso mental e autismo. Expansões em pré-mutação são a principal causa de menopausa precoce em mulheres e uma das causas de ataxia tardia em homens.
- **3.** O diagnóstico das expansões CGG também é utilizado para a detecção de possíveis portadores mulheres com a pré-mutação, já que existe uma chance maior em gerar filhos com mutação





Paciente: Arthur Ferreira de Oliveira Data de Nascimento: 26/02/2020 № de Identificação: 245/2024

completa. Recomendamos que este exame seja avaliado em um contexto de aconselhamento genético.

ISENÇÃO DE RESPONSABILIDADE

Fica esclarecido que os relatórios gerados a partir dos testes não fornecem nenhum diagnóstico ou opinião ou recomendam qualquer forma de conduta. A Singular Medicina de Precisão recomenda que o paciente e/ou seus responsáveis, conforme o caso, procurem o médico assistente ou um médico geneticista, para interpretar os relatórios gerados. Este teste é realizado em parceria com o DB diagnósticos. A Singular Medicina de Precisão, por meio deste documento, se isenta de qualquer responsabilidade decorrente da conduta médica relacionada à interpretação dos resultados.

MÉTODO

PCR e análise de fragmentos.

Dr Leandro Benevides Biomédico Geneticista CRBM-BA 12025



